时空三极环境大数据平台

**青藏高原东南缘人群线粒体测序数据**

英文标题：Mitochondrial DNA genome sequencing dataset of populations from the southeastern Tibetan Plateau

1、摘要

采用sanger测序的方法，对青藏高原东南缘（云南西北部）258个样本进行线粒体DNA高变区测序。基于系统发育思想，我们对这些数据进行质量控制，确保没有样本污染等质量问题。以修订后的剑桥标准序列参考，进行突变位点的输出。根据世界范围内的人群的线粒体DNA系统发育树（PhyloTree.org），对每个样本进行单倍型类群划分。结合已发表的欧亚大陆其他人群的测序数据，系统研究青藏高原东南缘人群的母系遗传结构及其形成机制。结果表明，该地区人群中有着大量的古老世系，可能代表了早期迁徙到达东亚南部的人群遗传印记。此外，该地区人群中还包含有大量的东亚，尤其是东亚北部组分，可能与粟黍农业人群的迁徙和扩散有关。

2、关键词

主题关键词：生物资源,哺乳动物
学科关键词：人地关系
地点关键词：青藏高原东南缘
时间关键词：2019

3、数据细节

1.比例尺：None

2.投影：

3.文件大小：0.27MB

4.数据格式：None

4、空间范围

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| - | 北：29.09 | - |
| 西：97.16 | - | 东：100.21 |
| - | 南：24.05 | - |

5、时间范围2019-03-15 08:00:00+00:00--2019-05-23 19:59:59+00:00

6、引用方式

数据的引用:

孔庆鹏. 青藏高原东南缘人群线粒体测序数据. 时空三极环境大数据平台, DOI:10.11888/Ecolo.tpdc.270362, CSTR:18406.11.Ecolo.tpdc.270362, 2019.[KONG Qingpeng. Mitochondrial DNA genome sequencing dataset of populations from the southeastern Tibetan Plateau. A Big Earth Data Platform for Three Poles, DOI:10.11888/Ecolo.tpdc.270362, CSTR:18406.11.Ecolo.tpdc.270362, 2019]

文章的引用:

7、资助项目信息

泛第三极环境变化与绿色丝绸之路建设专项
第二次青藏高原综合科学考察研究

8、数据资源提供者

姓名: 孔庆鹏
单位: 中国科学院昆明动物研究所
电子邮件: kongqp@mail.kiz.ac.cn