时空三极环境大数据平台

**沙冬青的干旱胁迫响应的蛋白组学特征**

英文标题：Proteomics analysis of drought responsive proteins in ammopiptanthus mongolicus

1、摘要

本项目以典型荒漠植物沙冬青为研究对象，通过对沙冬青的蛋白提取纯化体系进行优化，采用IEF和2-D双向电泳技术获得沙冬青可溶性蛋白电泳图，分析得到了在干旱胁迫下差异表达的蛋白质点，为后续质谱鉴定蛋白的功能、构建沙冬青水分胁迫响应网络提供技术上的保障。

2、关键词

主题关键词：植被,沙冬青,生理指标  
学科关键词：陆地表层  
地点关键词：黑河流域  
时间关键词：2012

3、数据细节

1.比例尺：None

2.投影：4326

3.文件大小：2.87MB

4.数据格式：PDF

4、空间范围

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| - | 北：38.62545 | - |
| 西：103.10507 | - | 东：103.10507 |
| - | 南：38.62545 | - |

5、时间范围2018-11-19 10:48:51+00:00--2018-11-19 10:48:51+00:00

6、引用方式

数据的引用:

苏彦华. 沙冬青的干旱胁迫响应的蛋白组学特征. 时空三极环境大数据平台, DOI:10.3972/heihe.207.2014.db, CSTR:18406.11.heihe.207.2014.db, 2016.[SU Yanhua. Proteomics analysis of drought responsive proteins in ammopiptanthus mongolicus. A Big Earth Data Platform for Three Poles, DOI:10.3972/heihe.207.2014.db, CSTR:18406.11.heihe.207.2014.db, 2016]

文章的引用:

7、资助项目信息

干旱环境下植物水分利用特征及其适应水分胁迫的分子机制研究

8、数据资源提供者

姓名: 苏彦华  
单位: 中国科学院南京土壤研究所  
电子邮件: yhsu@issas.ac.cn