时空三极环境大数据平台

**现代藏族人群全基因组变异数据**

英文标题：Genomic variation data of modern Tibetans

1、摘要

青藏高原平均海拔4000米以上，高寒、低氧等恶劣环境对人类的生存构成了巨大的挑战。然而，高原藏族人群自旧石器晚期就已经达到青藏高原，并且在新石器时期进一步大规模永久定居高海拔地区。因此，青藏高原的人群迁徙历史成为了近年来不同领域关注的焦点。为从全基因组的角度解析藏族人群的遗传结构，追溯人类定居高原的历史，我们获得了20个藏族个体的全基因组变异数据开展研究。采用DNA 微阵列（DNA Array）的方法，对20个样本进行了SNP分型检测，获得每个样品约70万位点（包括核基因组、线粒体DNA和Y染色体）分型结果。基于上述数据，进行相关生物信息分析（主要包括芯片位点质控分析、Y染色体和线粒体DNA的单倍群分型分析）。该数据有助于从核基因组、Y染色体和线粒体DNA的角度，解析藏族人群的遗传结构，通过与高原周边人群数据的比较，可以较为全面地追溯高原人群的迁徙和定居历史。

2、关键词

主题关键词：人口,藏族人群
学科关键词：人地关系
地点关键词：青藏高原
时间关键词：2018-2019

3、数据细节

1.比例尺：None

2.投影：

3.文件大小：809.0MB

4.数据格式：None

4、空间范围

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| - | 北：32.28 | - |
| 西：85.52 | - | 东：97.65 |
| - | 南：28.05 | - |

5、时间范围2018-04-06 00:00:00+00:00--2020-01-05 11:59:59+00:00

6、引用方式

数据的引用:

孔庆鹏. 现代藏族人群全基因组变异数据. 时空三极环境大数据平台, DOI:10.11888/Ecolo.tpdc.270370, CSTR:18406.11.Ecolo.tpdc.270370, 2020.[KONG Qingpeng. Genomic variation data of modern Tibetans. A Big Earth Data Platform for Three Poles, DOI:10.11888/Ecolo.tpdc.270370, CSTR:18406.11.Ecolo.tpdc.270370, 2020]

文章的引用:

7、资助项目信息

泛第三极环境变化与绿色丝绸之路建设专项

8、数据资源提供者

姓名: 孔庆鹏
单位: 中国科学院昆明动物研究所
电子邮件: kongqp@mail.kiz.ac.cn